

Inhaltsverzeichnis

| | | |
|------------|--|----|
| 1. | Einleitung | 7 |
| 1.1 | Überblick..... | 7 |
| 1.2 | Knochenmarktransplantation..... | 8 |
| 1.2.1 | Historie und Grundlagen | 8 |
| 1.2.2 | Indikationen zur allogenen Stammzelltransplantation | 9 |
| 1.2.3 | Probleme und Komplikationen..... | 10 |
| 1.2.3.1 | Graft-versus-Host-Erkrankung | 12 |
| 1.3 | NOD2/CARD15 | 16 |
| 1.3.1 | Expression | 17 |
| 1.3.2 | Aufgabe | 18 |
| 1.3.3 | Signaltransduktion..... | 18 |
| 1.3.3.1 | NOD2/CARD15 und NF-κB | 19 |
| 1.3.3.2 | NOD2/CARD15 und Toll-like-Rezeptoren..... | 20 |
| 1.3.4 | Mutationen im NOD2/CARD15-Gen – Krankheitsmodelle | 21 |
| 1.3.4.1 | NOD2/CARD15-Mutationen und M. Crohn | 22 |
| 1.3.4.2 | NOD2/CARD15-Mutationen und allogene Stammzelltransplantation..... | 22 |
| 1.4 | Zielsetzung der Arbeit..... | 25 |
| 2. | Patientenkollektiv | 27 |
| 3. | Material und Methoden | 35 |
| 3.1 | Materialien | 35 |
| 3.1.1 | Arbeitsgeräte..... | 35 |
| 3.1.2 | Arbeits- und Verbrauchsmaterialien..... | 35 |
| 3.1.3 | Lösungen und Reagenzien..... | 36 |
| 3.1.4 | Software..... | 37 |
| 3.2 | Experimentelle Methoden..... | 38 |
| 3.2.1 | DNA-Isolation aus mononukleären Zellen..... | 38 |
| 3.2.2 | Photometrische Konzentrationsbestimmung der DNA | 39 |
| 3.2.3 | DNA-Sequenzierung | 39 |
| 3.2.4 | PCR..... | 40 |
| 3.2.5 | Real-Time-PCR | 42 |

| | | |
|------------|--|-----------|
| 3.2.5.1 | Alleldiskriminierung mithilfe der TaqMan-Realtime-PCR..... | 44 |
| 3.2.5.2 | Mutationsanalyse des NOD2/CARD15-Gens | 45 |
| 3.3 | Statistische Methoden | 47 |
| 3.3.1 | deskriptive Statistik | 47 |
| 3.3.2 | Überlebenszeitanalyse ⁷⁷ | 48 |
| 3.3.2.1 | Kaplan-Meier-Schätzer und Log-rank-Test | 48 |
| 3.3.2.2 | Cox-Regression | 49 |
| 3.3.2.3 | kumulative Inzidenzanalyse und Competing Risks Regression | 49 |
| 4. | Ergebnisse | 51 |
| 4.1 | Allgemeiner Überblick über die Untersuchungsergebnisse | 51 |
| 4.1.1 | Mutationsverteilung..... | 51 |
| 4.1.1.1 | Gesamtkohorte..... | 51 |
| 4.1.1.2 | „Akute Myeloische Leukämien“ und „nicht-maligne Erkrankungen“..... | 53 |
| 4.1.2 | Kollektivcharakteristika | 54 |
| 4.1.3 | Transplantationsendpunkte..... | 55 |
| 4.2 | Überlebenszeitanalyse | 56 |
| 4.2.1 | Gesamtkohorte..... | 57 |
| 4.2.1.1 | akute und chronische GvHD | 57 |
| 4.2.1.2 | TRM und Rezidiv | 60 |
| 4.2.1.3 | Overall Survival..... | 62 |
| 4.2.2 | Akute Myeloische Leukämie..... | 65 |
| 4.2.2.1 | akute und chronische GvHD | 65 |
| 4.2.2.2 | TRM und Rezidiv | 65 |
| 4.2.2.3 | Overall Survival..... | 66 |
| 4.2.3 | nicht-maligne Erkrankungen | 68 |
| 4.2.3.1 | akute und chronische GvHD | 68 |
| 4.2.3.2 | TRM und Rezidiv | 70 |
| 4.2.3.3 | Overall Survival..... | 72 |
| 4.2.4 | Spezielle Auswertungen | 74 |
| 4.2.4.1 | HLA-Kompatibilität und T-Zell-Depletion | 74 |
| 4.2.4.2 | Darmdekontamination | 74 |
| 4.2.5 | Zusammenfassung der Überlebenszeitanalyse im Hinblick auf die gewählten Zielvariablen | 75 |

| | | |
|------------|--|-----|
| 5. | Diskussion..... | 79 |
| 5.1 | Methodik | 80 |
| 5.1.1 | Alleldiskriminierung mittels Real-Time-PCR..... | 80 |
| 5.1.1.1 | NOD2/CARD15-Genotypisierung mittels TaqMan-Real-Time-PCR | 81 |
| 5.1.1.2 | Überlebenszeitanalyse mittels Competing Risk Regression und Kaplan-Meier-Schätzer..... | 82 |
| 5.2 | Bedeutung von Polymorphismen im NOD2/CARD15-Gen für allogene Stammzelltransplantationen im Kindesalter..... | 84 |
| 6. | Zusammenfassung..... | 93 |
| 7. | Abstract..... | 95 |
| | Abkürzungsverzeichnis | 97 |
| | Abbildungsverzeichnis | 100 |
| | Tabellenverzeichnis..... | 103 |
| | Literaturverzeichnis..... | 106 |
| | Danksagung | 111 |
| | Lebenslauf | 113 |
| | Nachwort und Porträt | 117 |